

## Michaël LAMARRE

Né le 20 mars 1977 (31 ans)  
Nationalité : française  
Célibataire

 michaellamarre@yahoo.fr



Permis B  
Formation aux Premiers Secours (AFPS)

## Bioinformaticien

### Compétences

---

- Informatique :**
- Maîtrise des logiciels de gestion et de suivi de données de laboratoire (LIMS).
  - Conception et réalisation de plusieurs sites Web.
- Langages :*
- Bases de données : Oracle, SQL, Access.
  - Langages Web : HTML, PHP, CGI (Perl).
  - Autres langages : Visual Basic, Perl (BioPerl), Python, notions de Java.
- Bioinformatique :**
- Conception et implémentation de logiciels (puces à ADN : étude de biodiversité bactérienne, détermination de sondes homme-souris).
  - Conception de parseur de données biologiques.
  - Connaissances des banques de données disponibles sur les serveurs publics et des outils d'alignement de séquences BLAST et MEGABLAST.
- Communications :**
- Publications et posters en anglais, recherche bibliographique, cours particuliers.
- Langues :**
- Anglais (scientifique et technique), Allemand (notions).

### Expérience professionnelle

---

- Actuellement :  
ALTIK  
**Consultant –  
Chef de Projet LIMS**
- Société ALTIK à Buc (78).  
Actuellement, **Consultant – Chef de Projet LIMS** pour de grands groupes tels que Lafarge, Véolia, Moët & Chandon, Laboratoires d'analyses vétérinaires départementaux, CEA...  
Egalement chargé de la certification du logiciel pour l'échange de données au format XML avec le gouvernement.
- 2001 - 2005 :  
CNRS - UMR6543  
**Chercheur**
- Equipe de Biologie Virtuelle, Institut de Signalisation, Biologie du Développement et Cancer.  
**Responsable de la conception et de l'implémentation d'un logiciel** composé de scripts Perl avec interface HTML, intégrant une base de données MySQL.  
Financement région-entreprise (GENOLIFE).
- 2000 - 2001 :  
CNRS - UMR6078  
**D.E.A.**
- Laboratoire de Physiologie des Membranes Cellulaires, à VILLEFRANCHE-sur-MER : « **Etude et modélisation du fonctionnement des programmes BLAST et MEGABLAST** ».

### Formation

---

- 2001 - 2005 :  
**Doctorat en Bioinformatique**  
mention : « Très Honorable avec Félicitations »
- Laboratoire de Biologie Virtuelle, Université de NICE - SOPHIA ANTIPOLIS (UNSA), à Nice, sous la direction du Pr. R. Christen.  
Titre de la thèse : « **Conception de puces à ADN permettant d'observer la biodiversité bactérienne dans un échantillon environnemental** ».  
Obtenu le 29 novembre 2005.
- 2000 - 2001 :  
**DEA de Pharmacologie et  
Biologie Moléculaire et  
Cellulaire**  
mention : « Très Bien »
- Laboratoire de Physiologie des Membranes Cellulaires, UNSA, à VILLEFRANCHE-sur-MER.  
Rapport sur l'étude et le fonctionnement des programmes BLAST et MEGABLAST.
- 1999 - 2000 :  
**Maîtrise de Biologie Cellulaire  
et Physiologie**
- Université des Sciences et Technologies de LILLE (USTL),  
mention génétique moléculaire et cellulaire.

## Publications et communications

---

### Thèse

- Lamarre M. (2005) Conception de puces à ADN permettant d'observer la biodiversité bactérienne dans un échantillon environnemental - 146, *Th. : Aspects Moléculaires et Cellulaires de la Biologie : Nice : 2005*.

### Articles de résultats dans des revues à comité de lecture (co-premiers auteurs soulignés)

- Croce O., Lamarre M., Christen R. (2006) Querying the public databases for sequences using complex keywords contained in the feature lines, *BMC Bioinformatics* 2006, 7:45.

### Présentations orales

- Lamarre M., Croce O., Christen R. (2005) EmblEX : Parser et extraire des données vers différents formats à partir des entrées EMBL, *colloque Alignement et Phylogénie ALPHY 2005* (Montpellier, Campus du CNRS).
- Lamarre M., Croce O., Christen R. (2004) Chips designed to analyze the biodiversity of samples or to identify micro-organisms, *retraite scientifique inter-unités du Centre de Biochimie de Nice 2004* (Villefranche sur Mer).

### Posters (co-premiers auteurs soulignés)

- Croce O., Lamarre M., Garde M., Christen R. (2005) Conception de puces à ADN pour l'identification de champignons, récupération des séquences, classification et recherche de rapporteurs, *Journée Ouvertes Biologie Informatique Mathématiques JOBIM 2005* (Lyon, Campus de Lyon-Gerland).

## Centres d'intérêts

---

- Photographie.
- Réalisation d'un site Web personnel en PHP (<http://mikl03.free.fr>).
- Randonnée, sports de plein air.

## Références

---

- Richard Christen ([christen@unice.fr](mailto:christen@unice.fr)): Professeur à l'Université de Nice - Sophia Antipolis, FRANCE.
- Karim Jevardat de Fombelle ([kjevarda@capgemini.fr](mailto:kjevarda@capgemini.fr)): Project leader à Capgemini, Paris, FRANCE.